

Poznań, 02.06.2025 r.

Zamawiający:

Instytut Genetyki Człowieka Polskiej Akademii Nauk
ul. Strzeszyńska 32,
60-479 Poznań
NIP: 7811745737, REGON: 000326428

Dotyczy: postępowania o udzielenie zamówienia na „„Uzyskanie sekwencji całogenomowych próbek ludzkich z mapowalnym pokryciem przynajmniej x30 wraz z analizą bioinformatyczną otrzymanych danych oraz sekwencjonowaniem w technologii Illumina NovaSeq uprzednio częściowo przygotowanych bibliotek” - sygn. sprawy: 16/KJ/2025.

WYJAŚNIENIA TREŚCI ZAPYTANIA OFERTOWEGO

Zamawiający informuje, że w toku postępowania wpłynęły następujące pytania do treści zapytania ofertowego:

Pytanie nr 1:

Czy Zamawiający jest w stanie przygotować próbki o czystości (A260/A280) min.1.8?

Odpowiedź: tak

Pytanie nr 2:

Zamawiający wymaga aby „usługa obejmuje uzyskanie sekwencji całogenomowych oraz pełną analizę bioinformatyczną próbek Homo sapiens do osiągnięcia mapowalnego pokrycia co najmniej x30 (minimum 120 Gbp danych na próbkę)” – Czy Zamawiający dopuszcza Gwarantowane 90 Gb nieprzetworzonych danych (>75% baz powyżej Q30) ?

Odpowiedź: Zamawiający wymaga minimum 120 Gbp danych na próbkę.

Pytanie nr 3:

Zamawiający wymaga „stworzenie biblioteki PCR-Free, z insertem o długości 350 bp” – Czy Zamawiający dopuszcza biblioteki typu TruSeq DNA z amplifikacją PCR (HS TS DNA), jeśli spełnia inne parametry jakościowe?

Odpowiedź: Zamawiający nie wyraża zgody.

Pozostała treść zapytania ofertowego i jego załączników pozostaje bez zmian.

DYREKTOR
Instytutu Genetyki Człowieka PAN
prof. dr hab. Maciej Giefrze