

Poznań, 10.03.2025r.

Zamawiający:
Instytut Genetyki Człowieka Polskiej Akademii Nauk
ul. Strzeszyńska 32
60-479 Poznań
NIP: 7811745737, REGON: 000326428

Wykonawcy
Wszyscy zainteresowani
BIP

Dotyczy: zapytanie ofertowe na usługę „Uzyskania sekwencji całogenomowych próbek ludzkich z mapowalnym pokryciem przynajmniej x30” - znak sprawy: 4/KJ/2025.

Odpowiedzi na pytania

Zamawiający informuje że w dniu 06.03.2025 r. wpłynęły następujące pytania do zapytania ofertowego:

Pytanie nr 1:

Czy Zamawiający zaakceptuje użycie zestawu PCR-free NEBNext® Ultra™ IIDNA Library Prep Kit (Cat No. E7645) do przygotowania bibliotek?

Odpowiedź:

Nie, całość musi być procesowana na oryginalnych zestawach Illuminy, tak, jak opisano w Załączniku nr 1 - OPZ.

Pytanie nr 2:

Czystość DNA to jeden z parametrów ocenianych przy kontroli jakości prób. Wartości współczynnika A260/A280 powinny zawierać się pomiędzy 1.8 – 2.0, aby próbki DNA zostały zakwalifikowane jako „czyste” i zdadne do dalszych analiz. Jakie parametry czystości będą miały próbki Zamawiającego? W OPZ nadmieniono (A260/A280) > 0.7, można zatem przypuszczać, że część próbek Zamawiającego będzie wymagało dodatkowego oczyszczenia.

Odpowiedź:

Próbki dostarczone przez Zamawiającego nie będą wymagały doczyszczania - w założeniu jest przesłanie próbek o wartości A260/A280 >1.7.

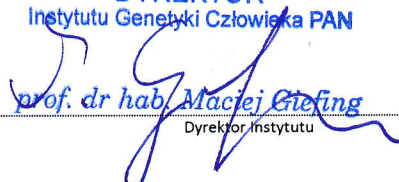
Pytanie nr 3:

Czy Zamawiający wymaga analiz bioinformatycznych czy tylko dostarczenie surowych danych po kontroli jakości w plikach fastq?

Odpowiedź:

Tylko dostarczenie surowych danych po kontroli jakości w formacie plików fastq, tak jak opisano w podpunkcie 2d (i-iii) OPZ.

DYREKTOR
Instytutu Genetyki Człowieka PAN


prof. dr hab. Maciej Giefling
Dyrektor Instytutu