

Nr ogłoszenia: 1/AW/2025

Załącznik nr 1
do Regulaminu przeprowadzania konkursów na
stanowiska naukowe w Instytucie Genetyki Człowieka
PAN w Poznaniu

OGŁOSZENIE O KONKURSIE NA STANOWISKO NAUKOWE

Dyrektor Instytutu Genetyki Człowieka Polskiej Akademii Nauk w Poznaniu (IGC PAN)
ogłasza otwarty konkurs na stanowisko **Adiunkta (post-doc)**
w **Samodzielnej Grupie Badawczej Biologii RNA IGC PAN**

Do konkursu mogą przystąpić osoby, które spełniają warunki określone w Ustawie z dnia 30 kwietnia 2010 r. o Polskiej Akademii Nauk (Dz. U. z 2020 r. poz. 1796 z późn. zm.) oraz Regulaminie przeprowadzania konkursów na stanowiska naukowe w Instytucie Genetyki Człowieka Polskiej Akademii Nauk w Poznaniu.

I. Informacje ogólne

1. Instytucja ogłaszająca konkurs: **Instytut Genetyki Człowieka PAN**
2. Miasto: **Poznań**
3. Stanowisko: **Adiunkt (post-doc)**
4. Dyscyplina naukowa: **nauki medyczne**
5. Liczba wakatów: **1**
6. Przewidywane wynagrodzenie zasadnicze: ok. **8000 PLN brutto/miesiąc**, umowa o pracę na pełen etat od **1 kwietnia 2025 r.**
7. Termin składania dokumentów: **do 28 lutego 2025 r.**
8. Adres, na który należy składać dokumenty: osobiście lub listem poleconym z dopiskiem „post-doc OPUS22” w kadrach **Instytutu Genetyki Człowieka PAN, ul. Strzeszyńska 32, 60-479 Poznań** lub elektronicznie na adres: **kamila.kusz-zamelczyk@igcz.poznan.pl** z dopiskiem „post-doc OPUS22”
9. Link do strony: <http://bip.igcz.poznan.pl/konkurs/>
10. Słowa kluczowe: **rozwój pierwotnych komórek płciowych, niepłodność, potranskrypcyjna regulacja ekspresji genu, kompleksy rybonukleoproteinowe**
11. Zakład/Zespół, w którym Kandydat miałby pracować: **Samodzielna Grupa Badawcza Biologii RNA**
12. Zwiążył opis badań naukowych, w których kandydat miałby uczestniczyć:

Rekrutacja dotyczy projektu w ramach grantu OPUS22 przyznanego przez Narodowe Centrum Nauki, kierownikiem projektu jest **dr hab. n. med. Kamila Kusz-Zamelczyk**.

Tytuł projektu: **„Rola NANOS3 w modulowaniu procesów genetycznych we wczesnych etapach rozwoju ludzkich komórek gamatogenicznych oraz znaczenie dla płodności człowieka”**

Opis badań:

Niepowodzenia rozrodu dotyczą około 15% par na świecie. Spowodowane są m.in. mutacjami zaburzającymi rozwój komórek gametogenicznych, co z kolei jest czynnikiem ryzyka wystąpienia nowotworów typu germinalnego. Białko NANOS3, będące białkiem wiążącym RNA i potranskrypcyjnym regulatorem ekspresji genów, jest markerem komórek gametogenicznych, począwszy od najwcześniejszego etapu ich rozwoju – specyfikacji. Ten etap rozwoju komórek gametogenicznych, mający miejsce we wczesnej embriogenezie, jest słabo poznany, a RNA regulowane przez NANOS3 na tym etapie rozwoju nie są dotąd opisane. Wiadomo natomiast, że mutacje NANOS3 są związane z niepłodnością.

Ogólnym celem projektu jest identyfikacja cząsteczek RNA regulowanych przez białko NANOS3 oraz całych szlaków leżących u podstaw wczesnych etapów rozwoju komórek rozrodczych, w szczególności tych, które są zmienione przez mutację NANOS3 p.Glu120Lys (v-NANOS3) związaną z niepłodnością. Szczegółowe cele są następujące: **1.** Modyfikacja linii ludzkich pluripotentnych komórek macierzystych (hPSCs) z zastosowaniem technologii CRISPR/Cas9 w celu wyprowadzenia linii komórkowych służących do: **a)** indukowanej degradacji białka NANOS3 (degron), **b)** identyfikacji cząsteczek RNA wiązanych przez NANOS3 (TRIBE) **c)** oraz zawierającą wariant v-NANOS3. Linie te będą następnie różnicowane do komórek podobnych do pierwotnych komórek rozrodczych (hPGCLCs), które posłużą jako materiał do dalszych badań nad NANOS3 **2.** Identyfikacja genów, których ekspresja jest regulowana przez NANOS3 oraz v-NANOS3 na wczesnych etapach rozwoju ludzkich komórek rozrodczych z zastosowaniem sekwencjonowania RNA

(RNA-Seq) całego transkryptomu. **3.** Identyfikacja RNA bezpośrednio regulowanych przez NANOS3 w porównaniu z v-NANOS3 z zastosowaniem TRIBE. **4.** Potwierdzenie regulacji oraz interakcji NANOS3 z wybranymi najciekawszymi RNA poprzez RT-qPCR, western blot, immunofluorescencję, EMSA.

Zakres obowiązków:

1. Aktywny udział w realizacji eksperymentalnych zadań projektu (projektowanie i uzyskiwanie modyfikowanych linii hPSCs techniką CRISPR/Cas9, hodowle i różnicowanie hPSCs, przygotowywanie próbek do RNA-Seq, TRIBE, RT-qPCR, westrn blot) oraz analizie wyników
2. Prezentowanie wyników na seminariach i konferencjach oraz udział w pisaniu publikacji naukowych
3. Pisanie prac przeglądowych
4. Opieka nad studentami

II. Wymagania stawiane kandydatom (odnośnie ukończonych studiów wyższych, posiadania stopnia lub tytułu naukowego)

1. Stopień doktora nauk biologicznych, chemicznych lub medycznych.
2. Wiedza i umiejętności z zakresu biologii molekularnej.
3. Posiadanie dorobku naukowego w postaci publikacji w obszarze nauk biologicznych i/lub medycznych.
4. Międzynarodowe staże/szkolenia i udokumentowana współpraca międzynarodowa.
5. Biegłość w posługiwaniu się językiem angielskim w mowie i piśmie.
6. Wysoka motywacja do pracy w nauce, umiejętność rozwiązywania problemów.
7. Umiejętność pracy w zespole.
8. Dodatkowym atutem będzie doświadczenie w technologii CRISPR/Cas9, różnicowaniu pierwotnych komórek macierzystych.
9. W okresie zatrudnienia Pracownik nie będzie pobierać innego wynagrodzenia ze środków przyznanych w ramach kosztów bezpośrednich z projektów badawczych finansowanych w ramach konkursów NCN.
10. W okresie zatrudnienia Pracownik nie będzie pobierać wynagrodzenia u innego pracodawcy na podstawie umowy o pracę, w tym również u pracodawcy z siedzibą poza terytorium Polski.

III. Wykaz dokumentów, które kandydat powinien załączyć do zgłoszenia konkursowego:

1. Podanie o zatrudnienie wraz z adresem do korespondencji oraz danymi kontaktowymi (adres mail oraz telefon),
2. Skan bądź kserokopia dyplomu ukończenia studiów wyższych,
3. Skan bądź kserokopia dyplomu nadania stopnia naukowego (jeśli dotyczy),
4. Skan bądź kserokopia uzyskania tytułu naukowego (jeśli dotyczy),
5. Życiorys,
6. Spis publikacji z zaznaczeniem maksymalnie pięciu najważniejszych prac wykonanych w okresie ostatnich 5 lat pracy naukowej kandydata (po odliczeniu przerw w pracy naukowej), zgłoszeń patentowych, patentów wdrożeń projektów badawczych (jeśli dotyczy),
7. Informację o liczbie cytowań publikacji lub auto-cytowań, wartości indeksu Hirscha oraz liczbie lat efektywnie przepracowanych w nauce (po odliczeniu przerw) (jeśli dotyczy),
8. Lista projektów badawczych (również aplikacyjnych, wdrożeniowych), którymi kandydat kierował lub był głównym wykonawcą oraz 1-3 najważniejsze publikacje będące wynikiem realizacji tego projektu lub inne wymierne rezultaty projektu (jeśli dotyczy),
9. Co najmniej jedna opinia samodzielnego pracownika naukowego, specjalisty w zakresie wskazanym w Ogłoszeniu o konkursie,
10. Nieprzekraczający 3500 znaków drukarskich (1 strona A4) autoreferat zawierający zwięzłą informację o zainteresowaniach naukowych, dotychczasowych osiągnięciach, ewentualnym udziale w projektach badawczych i własnych zamierzeniach badawczych,
11. Zgoda na przetwarzanie danych osobowych kandydata na potrzeby konkursu (dostępna: <http://bip.igcz.poznan.pl/wp-content/uploads/2018/10/Zgoda-rekrutacja-Consent for the processing.pdf>),

12. Oświadczenie kandydata o zapoznaniu się z regulaminem przeprowadzania konkursów na stanowiska naukowe w Instytucie Genetyki Człowieka PAN w Poznaniu (dostępna: http://bip.igcz.poznan.pl/wp-content/uploads/2018/10/Oswiadczenie_regulamin-Statement_Regulations.pdf),
13. Oświadczenie kandydata, że w razie wygrania konkursu Instytut Genetyki Człowieka PAN będzie jego podstawowym miejscem pracy (dostępna: http://bip.igcz.poznan.pl/wp-content/uploads/2018/10/Oswiadczenie_miejsce_pracy-Statement_place_of_work.pdf).

IV. Kryteria oceny kandydatów

1. Doświadczenie naukowe i zawodowe kandydata w oparciu o publikacje naukowe, w których kandydat jest pierwszym autorem, korespondencyjnym autorem lub autorem znaczącym oraz zgłoszeń patentowych/patentów/lub wdrożeń,
2. Mobilność w karierze naukowej (w tym odbyte staże naukowe, zmiana profilu naukowego, staże i praca w przemyśle),
3. Liczba cytowań i prac kandydata, zwłaszcza tych prac, w których kandydat jest pierwszym autorem, autorem korespondencyjnym lub autorem znaczącym,
4. Kreatywność mierzona jakością i liczbą kierowanych projektów badawczych,
5. Opinia samodzielnego pracownika naukowego,
6. Przerwy w pracy naukowej i wskazany dorobek Kandydata przeliczony na efektywne lata pracy naukowej,
7. Dodatkowe kryteria: doświadczenie w technologii CRISP/Cas9, hodowli i różnicowaniu PSCs.

V. Termin rozstrzygnięcia konkursu

Do 30 dni od daty upływu terminu składania dokumentów.

Wybrani kandydaci zostaną zaproszeni na rozmowę kwalifikacyjną. Każdy ze zgłoszonych kandydatów otrzyma indywidualną informację na temat wyników konkursu w odniesieniu do swojej osoby. Informacja o zwycięzcy konkursu będzie podana na stronie internetowej Instytutu.

VI. Planowany okres zatrudnienia: od 1 kwietnia 2025 r.

VII. **Dodatkowe informacje:** kierownik projektu – dr hab. n. med. Kamila Kusz-Zamelczyk (kamila.kusz-zamelczyk@igcz.poznan.pl).

VIII. Informacja o możliwości odwołania się Kandydata negatywnie zaopiniowanego przez komisję konkursową

Kandydatom zaopiniowanym negatywnie przez Komisję Konkursową przysługuje prawo do odwołania się od wyników przeprowadzonej oceny. Odwołanie wnoszone jest do Dyrektora Instytutu w ciągu 7 dni od daty otrzymania od komisji konkursowej informacji o opinii negatywnej. Rozstrzygnięcie Dyrektora Instytutu jest ostateczne.

DYREKTOR
Instytutu Genetyki Człowieka PAN

prof. dr hab. Maciej Giefing