

- Zamawiający zleca Wykonawcy **wykonanie usługi sekwencjonowania mRNA następnej generacji (RNASeq)**
- Usługa wykonana zostanie z wykorzystaniem materiału – RNA dostarczonego przez Zamawiającego.

Parametry RNA:

- Optymalne stężenie: 20-50 ng/ul
- jakość (RIN): >7
- objętość: 20-50 ul
- ilość całkowita: ≥1 ug

- Przedmiotem niniejszej usługi jest:

| Lp. | Opis przedmiotu usługi | Liczba | Należność |
|-----|---|---------------|--|
| 1 | Usługa obejmuje uzyskanie sekwencji transkryptomowych dla 24 próbek RNA w liczbie 30 milionów par odczytów na próbkę (60 milionów odczytów całkowitych; odczyty 2x150bp), 9Gbp danych na próbkę, z analizą bioinformatyczną Liczba próbek: 24 Liczba transz: 1 | 24 PRÓBK | *należy wskazać jednostkową cenę dla 1 próbki: _____ 24 x _____ = _____ 24 próbki x cena jednostkowa = wartość : _____ (należy podać rodzaj waluty PLN, EURO...) |
| 2 | Strona zamawiająca dostarczy Wykonawcy transzę wyizolowanego RNA, następnie Wykonawca: 1. Dokona kontroli jakościowej i ilościowej materiału wyjściowego. Wykonawca przeprowadzi ocenę jakości dostarczonego materiału przy użyciu Bioanalyzer, lub TapeStation System firmy Agilent, a wyniki tej kontroli zostaną przesłane w formie raportu do zamawiającego. 2. Przygotuje bibliotekę przy użyciu oryginalnego zestawu Illumina TruSeq mRNA stranded . 3. Wykona sekwencjonowanie wygenerowanych bibliotek na platformie Illuminy: Illumina NovaSeq6000 , PE150, 30 milionów par odczytów (Q30≥80% lub więcej) 4. Dostarczy raport sumaryczny, zawierający: • Informację o metodzie i procedurze eksperymentalnej. • Informację o analizie danych. • Podsumowanie eksperymentu (informację o próbkach, biegu sekwencjonowania i analizie statystycznej pozwalające ocenić jakość sekwencjonowania i pokrycia próbki). 5. Dostarczy dane surowe w formacie fastq, po wstępnej obróbce danych | 24 | Cena; _____ (należy podać rodzaj waluty PLN, EURO...) |
| 3 | Wykonawca przeprowadzi standardową analizę bioinformatyczną w oparciu o genom referencyjny. Analiza będzie zawierała: • Mapowanie do genomu referencyjnego, profilowanie ekspresji | 24 próbki, | |

| | | | |
|-------------------------|--|----------------------|--|
| | <ul style="list-style-type: none"> Analizę porównawczą (detekcja i kwantyfikacja zróżnicowanej ekspresji), adnotacje funkcjonalną do bazy danych GO (Gene Ontology) Funkcjonalną adnotację z użyciem bazy danych KEGG | 8 grup, 4 porównania | Cena; _____ (należy podać rodzaj waluty PLN, EURO....) |
| 4 | Wykonawca pokrywa koszty przesłania próbek transportem lotniczym na suchym lodzie. | 1 | w cenie usługi |
| 5 | W przypadku negatywnej weryfikacji jakości próbek, zamawiający ma możliwość dostania materiału w ciągu 3 miesięcy, a wykonawca pokrywa koszty jednokrotnego dostarczenia dodatkowego materiału. | 1 | w cenie usługi |
| 6 | Dostarczenie danych z sekwencjonowania nastąpi poprzez przesłanie dysku 1Tb do zamawiającego. Koszt dysku wraz z przesyłką: | 1 | Cena; _____ (należy podać rodzaj waluty PLN, EURO....) |
| 7 | Wykonawca zapewnia, że wszystkie wygenerowane dane zostaną usunięte maksymalnie po 6 miesiącach po dostarczeniu Zamawiającemu. Wszystkie wygenerowane dane stanowią całkowitą własność intelektualną strony zamawiającej i nie będą wykorzystane na potrzeby własne Wykonawcy. | - | w cenie usługi |
| 8 | W ramach usługi, Zamawiający informowany jest na bieżąco o postępach i etapach pracy nad zleconymi próbkami poprzez regularną komunikację z dedykowanym kierownikiem projektu. Usługa obejmuje wsparcie techniczne i opiekę techniczną nad użytkownikiem | - | w cenie usługi |
| Łączna wartość: | | | |
| Oferta ważna do: | | | |

* Zamawiający nie wyraża zgodny na zmiany w opisie przedmiotu usługi. Wykonawcy, którzy chcą złożyć ofertę w niniejszym postępowaniu muszą spełnić wszystkie wymogi z Załącznika nr: 1.

4. Analizy zostaną wykonane na obszarze Unii Europejskiej zgodnie z rekomendacją Polskiego Komitetu Genetyki Człowieka i Patologii Molekularnej (zgodnie z stanowiskiem KGCIpM w sprawie testów genetycznych i badań genomowych zalecanych za granicą z dnia 26.07.2021r.).
5. Za prawidłowe wykonanie usługi uważa się :
 - Sprawdzenie jakościowe i ilościowe próbek RNA dostarczonych przez Zamawiającego i wygenerowanie raportu
 - Przygotowanie bibliotek do sekwencjonowania, wykonanie usługi sekwencjonowania na platformie Illumina, oraz przeprowadzenie analizy bioinformatycznej, zgodnie z opisem w tabeli
 - dostarczanie wyników wraz z analizą bioinformatyczną i końcowym raportem jakości bezpośrednio po wykonaniu usługi na dysku 1Tb, zgodnie z opisem w tabeli
 - bieżące informowanie kierownika projektu: Katarzyna Iżykowska (katarzyna.izykowska@igcz.poznan.pl) o postępie w realizacji zlecenia
6. Czas realizacji usługi sekwencjonowania wraz z analizą bioinformatyczną nie powinien przekroczyć 9 tygodni licząc od momentu przeprowadzenia kontroli jakości otrzymania próbek.
7. Ważność oferty: 6 miesięcy; wysyłka próbek w ciągu pierwszych 3 miesięcy.
8. Należność za prawidłowo wykonaną usługę nastąpi w terminie do 30 dni od dostarczenia przez Wykonawcę faktury.
9. Usługa nie będzie realizowana w kolaboracji z innymi podmiotami lub podwykonawcami.